

**山东农业大学、中国农业大学  
中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会**

**关于举办“基因组时代的动物遗传育种学术论坛”的通知**

尊敬的各位会员、专家及同行：

为促进基因组时代的动物遗传育种领域学术交流与合作，中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会联合山东农业大学动物科技学院、中国农业大学动物科技学院，拟于 2018 年 9 月 14-16 日在山东泰安召开“基因组时代的动物遗传育种学术论坛”。会议邀请了国内外著名专家学者作专题报告，旨在分享与交流基因组时代动物遗传育种的最新研究进展，邀请您届时参加。

会议相关事宜安排如下：

**一、会议主题**

基因组时代的动物遗传育种

**二、会议安排**

会议时间：2018 年 9 月 14 日（报到）；9 月 15-16 日（大会报告）

会议地点：山东省泰安市岱宗大街 61 号 山东农业大学文理大楼  
报告厅

**三、会议日程**

**9 月 15 日上午**

08:30 - 08:50	开幕式/Open Ceremony
08:50 - 09:30	吴常信：Inspiration from synthetic biology in animal breeding/合成生物学对动物育种的启示
09:30 - 10:10	Jack Dekkers：Genetic improvement of health in animals/动物健康的遗传改良
10:10 - 10:30	Coffee Break/茶歇
10:30 - 11:10	刘剑锋：The algorithm improvement for statistical

	analyses of complex longitudinal data/复杂纵向性状遗传解析高效算法研究
11:10 - 11:50	王起山: ETph: Enhancers and their targets in pig and human database/ETph: 猪、人增强子及其靶基因数据库
12:00 - 13:00	午餐/Lunch Time

### 9月15日下午

14:00 - 14:40	Ignacy Misztal: Selected problems in genomic selection/基因组选择中的一些问题
14:40 - 15:20	Ben Hayes: Genomic selection - the next steps in livestock and crops/基因组选择- 畜禽和作物的下一步方向
15:20 - 16:00	吴晓林: Estimation of genomic breed composition and its application in genomic selection/基因组品种构成估计及其在基因组选择中的应用
16:00 - 16:20	茶歇/Coffee Break
16:20 - 16:50	刘小磊: KAML: A kinship adjusted multiple locus BLUP method for efficient, accurate, and robust genomic prediction/ KAML: 一个高效、稳定、准确的基于校正亲缘关系的多位点 BLUP 模型
16:50 - 17:20	丁向东: Key issues in pig genomic selection /猪基因组选择的几个关键问题
17:20 - 17:40	邓飞: The application strategy of genomic selection/基因组选择应用策略
17:50 - 19:00	晚餐/Dinner Time

### 9月16日上午

08:30 - 09:10	方铭: BayesPoly: a software for fine mapping causative variants for big population/ BayesPoly: 一个用于大群体精细定位致因突变的软件
09:10 - 09:50	姜运良: Identification of functional genes underlying disease resistance and intramuscular fat deposition in pigs by multi-omics approaches /基于多组学途径鉴定与猪疾病抗性和肌内脂肪沉积相关的功能基因

09:50 - 10:10	茶歇/Coffee Break
10:10 - 10:40	徐凌洋: Probe-based association analysis identifies several deletions associated with average daily gain in beef cattle/利用基于探针的关联分析鉴定与肉牛平均日增重相关的缺失变异
10:40 - 11:10	樊新忠: Animal genetics & breeding at SDAU/山东农业大学动物遗传育种研究简介
11:10 - 11:30	闭幕式/Closing Remarks
11:40 - 13:00	午餐/Lunch Time

#### 四、大会组织

- 大会主席： 山东农业大学 林 海 教授  
中国农业大学 田见晖 教授
- 会议主办： 山东农业大学动物科技学院  
中国农业大学动物科技学院  
中国畜牧兽医学学会动物遗传育种学分会
- 会议协办： 畜禽育种国家工程实验室  
农业部动物遗传育种与繁殖重点实验室  
畜禽良种产业技术创新战略联盟  
山东省动物生物工程和疫病防治重点实验室
- 支持单位： 纽勤生物科技（上海）有限公司  
北京康普森生物技术有限公司

#### 五、注册及费用

注册费：500 元/人

- (1) 为方便会务组安排，请参会代表务必于 **2018 年 9 月 1 日前** 按照以下格式填写后发送至会议邮箱 [animalbreeding2018@163.com](mailto:animalbreeding2018@163.com)

姓名	单位	职务	手机号码	邮箱	发票抬头	税号	备注

## (2) 缴费说明

本次会议由泰安弗尔曼酒店代收注册费，开具“会议费”发票。

开户名称：泰安市泰山弗尔曼酒店管理有限公司

开户银行：齐鲁银行泰安分行营业部

账 号：1600114000000007599

(3) 缴费方式：银行汇款、银行转账、现场缴费（刷卡或现金）；  
银行汇款和转账时务必注明：“遗传育种学术论坛+单位+参会人姓名”  
字样；请缴费后将凭证信息发送至秘书处邮箱  
animalbreeding2018@163.com，以便核对查询。秘书处将在收到注册  
费后一周内发送邮件确认，如未收到确认邮件，请电话联系秘书处。

(4) 发票领取：与会代表请携带本人身份证（学生代表需携带  
学生证）和缴费凭证在报到处领取。

## 六、联系我们

会议秘书：樊新忠 山东农业大学 13355381992

丁向东 中国农业大学 15811104301

张 毅 中国农业大学 13810128904

王文文 山东农业大学 15244119976

邮 箱： animalbreeding2018@163.com

中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

2018年9月6日



## 附件：

### 一、 报告人简介

#### 1. 吴常信院士 中国农业大学

中国农业大学教授，中国科学院院士。长期从事动物遗传理论与育种实践研究，在蛋鸡育种的理论与实践、节粮小型蛋鸡选育、畜禽遗传资源保存的理论与技术、藏鸡高原低氧适应的生理学和遗传学基础研究等领域取得了一系列重要研究成果。

#### 2. Dr. Jack Dekkers Iowa State University

国际著名动物数量遗传学家，美国爱荷华州立大学动物遗传育种学系主任，C.F.Curtiss 杰出教授。在动物优化育种方案、分子标记辅助育种、统计基因组学方面具有深厚造诣。近年来在动物基因组选择算法及育种应用、猪饲料效率遗传基础及选择、猪 PRRS 遗传抗性基因定位、先天免疫缺陷猪生物医学模型建立等领域取得了多项突破性进展。目前任国际知名杂志 *Genetics Selection Evolution* 主编。

#### 3. Dr. Ignacy Misztal University of Georgia

国际著名动物数量遗传学家。长期致力于动物遗传评估和遗传参数估计方法和算法研究，提出了混合模型方程组的间接迭代求解方法，使得动物模型 BLUP 的大规模应用成为可能，提出了综合利用系谱信息和基因组信息的基因组遗传评估方法 ssGBLUP 以及相关的优化算法，并在各个畜种中得到广泛应用。Misztal 教授主持开发的 BLUPF90 系列软件在遗传评估和基因组遗传评估中得到广泛应用。

#### 4. Dr. Ben Hayes University of Queensland

国际著名动物数量遗传学家。最早与 Goddard、Meuwissen 共同提出了基因组选择理论和方法，是动植物基因组选择领域的领军人物之一。在包括 *Nature Genetics*、*Nature Reviews Genetic*、*Science* 等在内的学术期刊上已发表超过 150 篇论文，在基因组、转录组、代谢组的相关统计学方法、生物信息学、复杂性状遗传解析等方面有杰出贡献。多次受邀在国际学术会议上作特邀报告。是多个国际合作项目的负责人，牵头组织了有多个国家 30 多个学术机构参加的国际千牛基因组计划（1000 bull genome project）。

#### 5. 吴晓林教授 湖南农业大学/美国纽勤公司

美国纽勤（Neogen GeneSeek）公司生物统计和生物信息部总监、威斯康辛大学动物科学系兼职讲座教授、湖南农业大学动物科技学院百人特聘教授。吴晓林博士长期从事动物数量遗传和统计基因组学（包括基因组选择）方面的研究，在国际著名学术刊物上发表论文百余篇及专著 4 本。吴晓林博士设

计了多款国际上使用量最高的基因组选择 SNP 芯片。

6. 刘小磊副研究员 华中农业大学

华中农业大学动物遗传育种系副研究员，硕士生导师。从事统计遗传学研究，尤其致力于全基因组关联分析和基因组选择的研究。相关论文发表在 PLoS Genetics、BMC Biology 等行业主流期刊，共发表 SCI 论文 10 篇，获专利 1 项，软件著作权 3 件。先后承担国家自然科学基金青年项目、重点项目子课题各 1 项，获 2017 湖北省青年科技晨光计划资助。

7. 刘剑锋教授 中国农业大学

中国农业大学教授，国家畜禽资源委员会猪专业委员会成员，中国畜牧兽医学动物遗传育种学分会理事。研究方向为数量遗传学与统计基因组学，主要致力于复杂性状遗传解析的统计模型构建、高效算法和畜禽育种方法研究。近 5 年来以通讯作者在 PLoS Genetics、Bioinformatics 等本领域国际期刊发表相关论文 40 篇。

8. 王起山教授 上海交通大学

上海交通大学农业与生物学院教授、博士生导师。先后在美国康奈尔大学和美国加州大学(Riverside)访问学习，现为上海交通大学晨星学者，上海市生猪产业体系岗位科学家，兼农业部全国地方猪品种登记专家组秘书，中国畜牧兽医学动物遗传育种学分会理事。基础研究层面，主要围绕复杂性状遗传机制解析开展探索性的研究，以生物大数据的统计方法、平台开发为重点，构建了多个高效的 GWAS 和 GS/GP 方法和便捷易用的统计分析平台；在应用研究层面，以动物种质创新和遗传资源的鉴定、评估、保护、开发以及利用工作为重点，开发了具自主知识产权的简化基因组测序平台 GGRS 及配套的基因型填补法 iBLUP 等。研究成果相继在 Bioinformatics、Animal Genetics、Animal、Heridity 等杂志发表 SCI 论文 40 余篇。

9. 方铭教授 集美大学

集美大学水产学院教授，闽江学者特聘教授，获厦门市双百奖励计划。主要从事数量遗传及统计基因组领域的研究，现从事水生生物遗传育种工作，发表科研论文 20 余篇。近年来主要针对人类炎症性肠炎遗传位点的单核苷酸水平的超精细定位的方法和应用开展了研究，成功检测了 45 个影响此疾病的编码和调控的单核苷酸多态，科研成果于 2017 年以并列第一作者身份发表在 Nature 正刊上。

10. 徐凌洋副研究员 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所

中国农业科学院北京畜牧兽医研究所，副研究员，博士生导师。中国农业科学院青年英才计划入选者。现任中国农业科学院北京畜牧兽医研究所牛

遗传育种创新团队研究骨干，主要从事分子数量遗传学，功能基因组学和群体遗传学研究。研究方向包括 1、牛群体遗传结构与分子进化。2、拷贝数变异的性状关联与群体遗传学特质，整合 CNV 与 SNP 的分析复杂性状缺失的遗传力。3、基因组选择策略优化。研究成果发表于 *Molecular Biology and Evolution*, *DNA research*, *BMC Genomics*, *BMC Bioinformatics*, *Genome Biology and Evolution*, *Scientific Report* 等期刊。

#### 11. 丁向东副教授 中国农业大学

中国农业大学动物遗传育种专业博士毕业，中国农业大学副教授，博士生导师，国家生猪产业技术体系岗位专家，全国种猪遗传评估中心专家组成员，北京市科技新星获得者，中国畜牧兽医学会养猪学分会理事、信息技术分会理事。主要从事动物遗传评估、统计遗传和基因组选择研究，主持和参加国家、省部级课题 10 余项。在 *Nature Ecology and Evolution*, *Genetics*, *Genetics Selection and Evolution* 等国际学术刊物上发表 SCI 论文 50 余篇，获得软件著作权 20 项，参与撰写 3 部学术专著和 2 本科普，获得国家和省部级奖励 4 项。

#### 12. 姜运良教授 山东农业大学教授

山东农业大学动物科技学院/动物医学院教授，中国生物技术学会理事，中国畜牧兽医学会动物遗传育种分会及动物遗传标记分会理事，是世界家禽学会、表观遗传学会和动物遗传学会会员。主要从事分子生物学与动物遗传育种方面研究，在猪的抗病育种、鸡卵泡发育及排卵的分子机制及畜禽的表观遗传学等方面取得一系列创新成果。

#### 13. 樊新忠教授 山东农业大学教授

山东农业大学动物科技学院/动物医学院教授，动物遗传育种与繁殖学系主任，山东省泰山产业领军人才，山东省特种经济动物产业创新团队育种岗位专家，国家畜禽遗传资源委员会专业委员，中国畜牧兽医学会养兔学分会常务理事、信息技术分会理事，中国畜牧业协会兔业分会副秘书长、专家委员会委员。主要从事动物新品种选育与育种新技术研究。主持育成了康大 1 号、2 号、3 号等三个国审肉兔新品种，作为技术核心培育了泰山肉兔、泰山长毛兔、沂蒙长毛兔、莱芜黑耳长毛兔，发掘培育了莱芜黑鸡、泰山柴鸡资源和禽雁麻鸡配套系，参加培育了胜利白猪、江泉白猪。

## 二、 会议住宿

山东农业大学附近部分酒店及联系方式如下，请各位与会代表参考预订，自行安排住宿，费用自理。

(1) 泰山弗尔曼酒店（320 元/晚）

地址：泰安市泰山区东岳大街 288 号（报到地点和用餐地点，距离山东农业

大学 700 米)

联系电话：0538-8209999

(2) 泰安山海大酒店 (280 元/晚)

地址：泰安市泰山区龙潭路 68 号 (泰山脚下，距离山东农业大学 1km)

联系电话：0538-8786366

(3) 山东农业大学附近其他快捷酒店



### 三、 交通指南

#### (1) 济南遥墙机场—泰山弗尔曼酒店

方案 1：济南遥墙国际机场航站楼步行 171 米至遥墙国际机场公交站，乘坐机场大巴泰安线至泰安航空港公交站（济南机场长途客运站发车时间：9:30、10:30、11:30、12:30、13:30、14:30、15:30、16:30、17:30、18:30、19:30、21:00），步行 156 米至恒远国际旅行社、瑞和堂茶楼公交站，乘坐 10 路北环公交至农业大学公交站，步行 441 米到达弗尔曼酒店，用时约 2 小时 30 分钟。

方案 2：济南遥墙国际机场航站楼步行 171 米至遥墙国际机场公交站，乘坐机场大巴泰安线至泰安航空港公交站，从泰安航空港公交站打车至弗尔曼酒店，用时约 2 小时。



(2) 高铁泰安站—泰山弗尔曼酒店

高铁泰安站乘 37 路/K37 路至市委党校，步行 853 米，用时：1 小时。打车约 20 元。

(3) 泰山站—泰山弗尔曼酒店

泰山火车站广场东站公交站 6 路/K6 路公交车至齐鲁银行下车，步行 69 米。耗时：17 分钟。打车约 6 元。